

**Demande d'autorisation de récolte des échantillons d'une espèce végétale
dans la Réserve naturelle nationale de Chastreix-Sancy**

30 septembre 2024, Kraków (Pologne)

Requérant

Dr. Michał Ronikier, chercheur - botaniste à l'Institut de botanique de l'Académie polonaise des sciences (Cracovie), responsable d'un groupe de recherche sur biogéographie moléculaire (site web: <https://www.molecular-biogeography.eu>).

Objet de la demande

Récolte d'échantillons de dryade à huit pétales (*Dryas octopetala* L., Rosaceae) dans deux populations localisées du massif du Sancy dans la réserve naturelle de Chastreix-Sancy.

Pour information, l'espèce sera aussi prélevée dans le massif du Cantal.

Comme cette espèce est protégée au niveau régional, une demande de dérogation de prélèvement d'espèces protégées est en cours en parallèle de la demande de prélèvement en réserve naturelle.

Comment ?

Récolte du matériel de 5 spécimens par population, en quantité de 2-5 feuilles par individu (donc 10 spécimens au total), sans aucun effet négatif pour les plantes individuelles. Le matériel végétal sera mis dans les tubes remplis de silicagel (agent déshydratant) et ensuite utilisé au laboratoire pour isoler l'ADN génomique et réaliser une analyse complexe de diversité génétique (génotypage ddRADseq).

Quand ?

Entre octobre et décembre 2024.

Qui fait les prélèvements ?

Camille THOMAS, garde chargée d'étude de la réserve naturelle nationale de Chastreix-Sancy (syndicat mixte du parc naturel régional des Volcans d'Auvergne).

Pour information, ce sera Tifenn Chantelauze, chargé de mission au syndicat mixte du PNR des Volcans d'Auvergne, qui prélèvera dans le massif du Cantal.

Où ?

Dans la réserve naturelle nationale de Chastreix-Sancy au niveau de la cascade de la Dore (première population) et au Puy de Cacadogne (deuxième population).

Pourquoi ? (Contexte scientifique)

Les échantillons prélevés dans le Massif central feront partie d'une étude biogéographique de large échelle portant sur *Dryas octopetala*, une des espèces-clés du groupe des espèces arcto-alpines. L'étude est réalisée dans le cadre d'un programme de recherche sur la biogéographie moléculaire des espèces arcto-alpines en Europe (pour une description voir : <https://www.molecular-biogeography.eu/projects/pioneer-project/>). Le projet s'appuie sur l'utilisation du matériel biologique des populations contemporaines et du matériel d'ADN conservé dans les sédiments des lacs d'altitude pour les analyses génétiques de haut niveau, portant sur la reconstruction des liens entre les populations dans les régions de répartition géographique de *D. octopetala* en Europe et dans le large contexte circumpolaire. Le but en est d'identifier les grandes lignées génétiques qui forment l'aire de distribution de l'espèce en Europe, et leurs zones de contact, ainsi que les caractéristiques démographiques historiques. Dans le même temps, il s'agit de reconstruire les relations biogéographiques des populations reliques dans les sites isolés (et donc leur degré d'isolement et leur histoire biogéographique). À cette fin, il est important d'inclure dans l'étude les échantillons provenant des populations les plus méridionales (montagnes de la Péninsule Balkanique) et aussi les populations du Massif Central qui persistent entre les grands massifs des Alpes et des Pyrénées.

Au stade actuel du projet, plus de 2000 individus ont été échantillonnés à travers l'aire de répartition de *Dryas octopetala* et la première étude génétique (circumpolaire) a été effectuée pour délimiter les grandes lignées. A présent, la deuxième étude est en cours de préparation, portant sur l'Europe et basée sur un échantillonnage détaillé. La seule région dans le système alpin européen qui n'est pas encore représentée est le Massif Central. Pourtant, c'est une région très importante pour la diversité de la flore alpine et l'étude des liens biogéographiques du Massif Central avec les Alpes et les Pyrénées est très intéressante du point de vue scientifique (histoire de la flore alpine) et importante du point de vue de conservation des ressources génétiques dans les populations naturelles.